

GHEP-ISFG – Desafio teórico avançado forense 2025

Questionário: perguntas gerais sobre a sua prática de tratamento de casos

Por favor, preencha este questionário. Após o preenchimento, pode começar com os exercícios.

1. Número de identificação do Laboratório:

Genotipagem do DNA

2. Por favor, indique todos os kits de amplificação de STRs autossômicos validados e usados no seu laboratório na análise de misturas de DNA (marque todas as opções que se apliquem).

- ☐ Applied Biosystems AmpFLSTR Identifier
- ☐ Applied Biosystems AmpFLSTR Identifier Plus
- ☐ Applied Biosystems AmpFLSTR Profiler
- ☐ Applied Biosystems AmpFLSTR Profiler Plus
- ☐ Applied Biosystems GlobalFiler
- ☐ Promega Powerplex 16
- ☐ Promega Powerplex 16 HS
- ☐ Promega Powerplex Fusion 5C
- ☐ Promega Powerplex Fusion 6C
- ☐ Qiagen Investigator 24plex
- ☐ Outro (especifique)

3. Por favor, indique que kit de amplificação de STRs autossômicos usa por defeito no seu laboratório. Especifique o número de ciclos de amplificação validados nos seus procedimentos.

- ☐ Applied Biosystems AmpFLSTR Identifier (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Applied Biosystems AmpFLSTR Identifier Plus (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Applied Biosystems AmpFLSTR Profiler (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Applied Biosystems AmpFLSTR Profiler Plus (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Applied Biosystems GlobalFiler (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Promega Powerplex 16 (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Promega Powerplex 16 HS (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Promega Powerplex Fusion 5C (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Promega Powerplex Fusion 6C (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Qiagen Investigator 24plex (especifique o nº de ciclos de amplificação)
- ☐ Outro (especifique o nome do kit e nº de ciclos de amplificação)

4. Por favor, indique que instrumento de CE usa por defeito para casos de mistura no seu laboratório. Especifique a voltagem e tempo de injeção para o seu kit habitual de STRs, conforme especificado nos seus procedimentos.

- ☐ Applied Biosystems 3100 (especifique voltagem(s) e tempo(s) de injeção)
- ☐ Applied Biosystems 3130 (especifique voltagem(s) e tempo(s) de injeção)
- ☐ Applied Biosystems 3130xl (especifique voltagem(s) e tempo(s) de injeção)

- ☐ Applied Biosystems 3500 (especifique voltagem(s) e tempo(s) de injeção)
- ☐ Applied Biosystems 3500xl (especifique voltagem(s) e tempo(s) de injeção)
- ☐ Applied Biosystems 3700 (especifique voltagem(s) e tempo(s) de injeção)
- ☐ Applied Biosystems 3730 (especifique voltagem(s) e tempo(s) de injeção)
- ☐ Promega Spectrum (especifique voltagem(s) e tempo(s) de injeção)
- ☐ Outro (especifique o nome, voltagem e tempo de injeção...)

Software de cálculo do LR

5. Indique todos os softwares de cálculo de LRs validados e usados para casos de mistura no seu laboratório (marque todos os que se aplicam).

- ☐ Armed Xpert
- ☐ CEESIt
- ☐ DNA View Mixture Solution
- ☐ DNAXs/DNAStatistX
- ☐ EuroForMix
- ☐ EFMrep
- ☐ Final Forensic Genetics (GFF)
- ☐ CaseSolver
- ☐ LabRetriever
- ☐ likeLTD
- ☐ LiRaHT
- ☐ LRmix/LRmix Studio
- ☐ MixCal
- ☐ PopStats
- ☐ Soft Genetics MaSTR
- ☐ STRmix
- ☐ TrueAllele
- ☐ Folha de cálculo própria
- ☐ Outro (especifique)

6. Por favor, indique que software de cálculo de LRs usa por defeito no seu laboratório, para casos de mistura. Especifique o número da versão.

- ☐ Armed Xpert (especifique o número da versão)
- ☐ CEESIt (especifique o número da versão)
- ☐ DNA View Mixture Solution (especifique o número da versão)
- ☐ DNAXs/DNAStatistX (especifique o número da versão)
- ☐ EuroForMix (especifique o número da versão)
- ☐ EFMrep (especifique o número da versão)
- ☐ Final Forensic Genetics (GFF) (especifique o número da versão)
- ☐ CaseSolver (especifique o número da versão)
- ☐ LabRetriever (especifique o número da versão)
- ☐ likeLTD (especifique o número da versão)
- ☐ LiRaHT (especifique o número da versão)
- ☐ LRmix/LRmix Studio (especifique o número da versão)
- ☐ MixCal (especifique o número da versão)
- ☐ PopStats (especifique o número da versão)
- ☐ Soft Genetics MaSTR (especifique o número da versão)
- ☐ STRmix (especifique o número da versão)
- ☐ Folha de cálculo própria (especifique o número da versão)

- ☐ Outro (especifique o nome e número da versão)

Diretrizes internas de interpretação

As perguntas que se seguem dizem respeito às diretrizes internas para perfis de evidências (questionados) obtidos com o kit padrão de tipagem de STRs do seu laboratório (e condições padrão de ciclos de PCR, CE e análise de perfis).

7. Existe uma quantidade mínima de DNA a partir da qual realiza a amplificação?

- ☐ Sim (indicar a quantidade mínima de DNA)
☐ Não

8. Existe um limite estocástico validado internamente?

- ☐ Sim (indicar a altura (RFU) do limite estocástico)
☐ Não

9. Existe um número mínimo de alelos/loci designados requeridos para prosseguir com a análise de um perfil de DNA?

- ☐ Sim (especificar)
☐ Não

10. Existe um número máximo de contribuintes para prosseguir com a análise de um perfil de DNA?

- ☐ Sim (indicar o número máximo de contribuintes num perfil de mistura a ser analisado no seu laboratório)
☐ Não

11. Existe um número máximo de *mismatches* (isto é, alelos não detetados/drop-outs) entre os perfis da referência e da evidência para prosseguir com a análise de um perfil de DNA?

- ☐ Sim (especificar)
☐ Não

12. Existe um limite de LR abaixo do qual não informa? (por ex., um limite inferior de LR 100 significa que LRs inferiores a 100 não são reportados)

- ☐ Sim (indicar o limite inferior de LR)
☐ Não

13. Existe um limite superior para informar LRs? (por ex., um limite superior de 1 bilhão significa que todos os LRs acima de 10^9 são reportados como “mais de um bilhão” em vez de informar os valores reais de LR, tal como 10^{23})

- ☐ Sim (indicar o limite superior de LR)
☐ Não

Comentários

14. Existe algum outro aspecto da sua prática de tratamento de casos que possa ser importante conhecermos?